

A

Unmixed populations													Parasite population						
Infectivity	0	0.5	1	0.67	0.54	0.21	0.63	0.83	0.08	0.54	0.54	0.38	0	0.04	0.42	0.33	0.25	0.08	1
	0.29	0.67	0.46	0.75	0.46	0	0.04	0.67	0.13	0.79	0.21	0.42				0.25	0.25	0.29	2
	0.63	0.46	0.08	0.17	0.54	0.67	0.17	0.25	0.38	0.21	0.33	0.79				0.08	0.04	0	5
	0.04	0.08	0.5	0.54	0.21	0.29	0.21	0.58	0.42	0.79	0.38	0.13				0.54	0.08	0.17	7
	0.08	0.67	0.13	0.04	0.29	0.67	0.58	0.13	0.08	0.58	0.29	0.5				0.13	0.08	0.63	9
	0.17	0.04	0.17	0.88	0.63	0	0	0.58	0.29	0.63	0.29	0				0.08	0.21	0	11
	0.17	0.58	0.13	0.88	0.42	0.13	0.46	0.58	0.04	0.54	0.33	0.25				0.5	0	0.42	13
	0	0	0.25	0.75	0.71	0.75	0.13	0.54	0.46	0.71	0.13	0.38				0.38	0.13	0.33	15
	0.67	0.58	0.63	0.58	0.83	0.42	0.08	0.71	0.08	0.67	0.25	0.21				0.13	0.08	0.13	16
	0.5	0.46	0.25	0.71	0.88	0.08	0.46	0.83	0.04	0.71	0.75	0.58				0.38	0.25	0.04	20
Mixed populations	0.08	0.83	0.33	0.38	0.92	0.08	0.58	0	0.33	0.29	0.71	0.33	0.08	0.08	0.38	0.08	0.25	0.13	3
	0.42	0.25	0.29	0.08	0.33	0.33	0.83	0.08	0.13	0.08	0.71	0.08				0.29	0.25	0.13	4
	0.21	0.5	0.29	0.21	0.71	0.25	0.46	0.08	0.83	0	0.17	0.5				0.25	0.67	0	6
	0.83	0.21	0.29	0.58	0.79	0.04	0	0.5	0.46	0.13	0.13	0.88				0	0.17	0.46	8
	0.63	0.83	0.33	0.25	0.08	0.83	0.21	0.38	0.21	0.5	0	0.04				0.38	0.33	0.88	10
	0.38	0.25	0	0.75	0.79	0.33	0.13	0.67	0.5	0.63	0.13	0				0	0.42	0.08	12
	0.38	0.08	0.71	0.83	0.42	0.29	0.25	0.71	0.08	0.71	0.25	0.21				0.13	0.08	0.13	14
	0.08	0.33	0.08	0.75	0.46	0.54	0.46	0.67	0.25	0.83	0.21	0.46				0.21	0.13	0.17	17
	0.58	0.46	0.13	0.79	0.75	0.58	0.08	0.58	0.08	0.67	0.33	0.17				0.25	0.17	0	18
	0.29	0.5	0.25	0.71	0.79	0.25	0.42	0.71	0.5	0.63	0	0.33				0.5	0.04	0.21	19
	0.38	0.54	0.08	0.67	0.75	0.04	0	0	0.13	0.04	0.04	0.54				0.29	0.42	0.29	A
	11A	12A	4A	9B	6A	7A	6A	9A	K2B	K3A	M1B	M2A				K1A	M3A	M4A	

B

Unmixed populations													Parasite population						
Within-host growth	0	2.25	4.5	4.5	0.72	1.33	1.47	1.45	0.83	0.67	1.2	2.25	0	0.25	0.85	1.53	2.12	2.52	1
	1.05	1.42	0.55	3.33	1.93	0	1.9	1.9	1.57	1.45	1.37	1.28				1.92	2.12	3.92	2
	1.43	1.52	0.58	1.12	1.45	2.42	2.85	1.2	1.12	0.48	2.23	0.77				0.8	1.32	0	5
	0.18	2.22	2.8	1.98	0.27	0.77	1.93	1.43	1.43	1.87	3.72	1.78	0.93			2.68	0.85	2.72	7
	0.25	2.08	1.17	0.88	0.55	1.1	2.2	1.95	0.47	2.03	2.12	1.38				2.18	1.15	4.07	9
	2.63	0.55	0.3	1.87	1.33	0	0	1.48	1.3	1.1	1.45	0				0.78	2.07	0	11
	2.57	1.77	1.3	2.37	1.48	1.42	1.85	1.67	0.35	1.63	0.8	1.58				2.68	0	2.67	13
	0	0	1.22	1.13	1.5	1.7	0.98	0.92	2.45	2.17	1.02	1.32				0	0.48	4.12	15
	3.42	1	1.93	1.22	3.87	2.65	1.27	3.2	0.32	1.28	0.97	0.78				0.85	0.78	2.93	16
	1.87	2.33	0.93	1.3	1.25	0.82	1.17	1.23	0.62	2.65	1.2	1.15				1.88	2.2	0.5	20
	0.83	2.23	1.53	0.83	1.55	1.82	1.57	0.95	1.97	1.77	2.77	1.8				1.9	1.3	3.95	A
	3.6	1.92	1.23	1.57	2.22	0.95	1.43	0.77	0.67	1.22	1	1.05				3.03	2.18	2.77	4
	0.83	0.92	1.85	1.78	1.57	1.47	1.23	2.03	2.52	1.83	1.45	1.53				1.77	1.98	0	6
	1.43	1.58	1.67	2.32	2.1	0.5	0	0.93	0.83	1.75	0	0.75				0	1.52	4.28	8
	2.2	2.1	1.35	1.4	0.65	1.93	1.52	0.48	1.2	1.38	0	0.53				2.78	1.97	4.17	10
	1.48	1.25	1.67	1.28	1.32	1.1	1.88	1.12	1.85	1.83	1.27	1.4				0	2	2.72	12
	1.05	1.15	1.6	1.52	2	1.52	1.43	1.72	1.47	1.8	1.65	1.97				0	0.48	4	14
	0.25	0.73	1.17	1.42	1.92	3.37	2.68	1.75	1.72	0.7	1.48	2.5				1.78	1.43	1.58	17
	2.2	0.92	0.55	2.65	0.85	1.82	0.7	1.37	1.28	1.52	0.85	0.35				2.13	1.3	0	18
	0.93	1.73	1.88	1.53	1.15	1.47	1.83	1.83	0.77	2.57	0	1.62				0.98	0.38	2.05	19
	0.83	0.81	0.58	0.86	1.02	0.66	0.63	0.52	0.81	0.92	0.57	0.9				0.9	1.82	2.65	A
	11A	12A	4A	5B	6A	7A	8A	9A	K2B	K3A	M1B	M2A				K1A	M3A	M4A	

Host genotype